

A depresszió genetikai kockázati tényezői

Cell, January 14, 2025

Kulcsszavak: népegészségügy, lelki egészség, depresszió, nemzetközi

Forrás Internet-helye:

[https://www.cell.com/cell/fulltext/S0092-8674\(24\)01415-6](https://www.cell.com/cell/fulltext/S0092-8674(24)01415-6)

Egy nemzetközi kutatócsoport a depresszió mintegy 300 új genetikai tényezőjét tárta fel. A nagyszabású vizsgálat ötmillió ember adatain alapult a világ 29 országából. A *Psychiatric Genomics Consortium* munkaközösségét a *University of Edinburgh*, a *King's College London* és a *Zentralinstitut für Seelische Gesundheit (ZI) Mannheim* koordinálta. A kutatásban többek között dél-afrikai, brazil, mexikói, amerikai, ausztrál, tajvani és kínai szakértők vettek részt. Az újonnan felfedezett genetikai variációk közül százat afrikai, kelet-ázsiai, hispán és dél-ázsiai származású emberek adataiból azonosítottak.

A világviszonylatban eddig legnagyobb és legsokrétűbb genetikai vizsgálat 300 új genetikai variáció összefüggését tárta fel a depresszióval kapcsolatban. Így a depresszió új genetikai kockázatait azonosították, amelyek az összes népességcsoportra kiterjednek.

A depresszió eddigi genetikai kutatása elsősorban eredetileg Európából származó populációkra összpontosított. A genetikai alapon fejlesztett terápiák ezért más etnikumoknál nem voltak hatékonyak, ami csak növelte a jelenlegi egészségügyi egyenlőtlenségeket.

A kutatók összesen 700 variációt azonosítottak, amelyek összefüggésbe hozhatók a depresszió kialakulásával. E variációk csaknem fele 308 specifikus génre vonatkozik, amelyeket még soha nem hoztak összefüggésbe a depresszióval.